

专题译述

Worthy Issues

人类基因组测序十周年志

前言

2000年6月26日，中、美、英、日、德、法六国宣布人类基因组工作草图绘制完成。人们对这张基因蓝图寄予厚望，认为人类基因组测序的完成是一个里程碑式的成就，它将把我们带入一个分子医学的新纪元，将为预防、诊断和治疗疾病带来新的方法。

当获得基因组不再成为难事的时候，后基因组时代来临了，十年的积累仅仅只是基因组学时代的开端。人类基因组测序完成后的首个十年，科学技术获得很大发展。基因组测序的成功，催生了许多其它大型生物学计划，例如国际HapMap计划——目标是发现人类基因组中普遍不同的位点；ENCODE计划——旨在找出人类基因组中的功能元件。测序技术的突飞猛进，测序强度的越发强大以及测序价格的越发低廉，使得大量遗传序列信息犹如洪水般涌出。从这些繁杂的数据中获得我们想要的资源才是基因组学的最终追求。究竟这10年的研究成绩是否可以兑现当年研究人类基因组的初衷，基因组图谱要如何帮助科学家解开人类的奥秘？最近，《自然》(*Nature*)做了个专题——人类基因组十周年志(The human genome at ten)。专题从多个角度分析了后基因组时代的发展状况，包括基因组测序产业、基础研究以及基础研究向临床转化等角度，并探讨了基因组测序未来几年的发展方向。

专题最后还有几位基因组科学领域的“大人物”慷慨激昂地发表了个人的看法。《生命奥秘》本月将介绍相关内容，希望能给科研人员带来新启发。